

4/22

1	M	-	G	L	S	T	V	P	D	L	L	P	L	V	L	E	L	V	G	I	Y	P	S	G	V	I	G	L	V	P	H	L	G	D	R	E	-	TNFR1					
1	M	A	P	V	A	T	W	A	A	L	A	V	G	L	E	L	W	A	A	H	A	L	P	A	Q	V	A	-	-	-	-	-	F	T	P	-	TNFR2						
1	M	G	A	G	A	T	G	R	A	M	D	-	-	-	-	G	P	R	L	L	L	L	D	G	V	S	L	G	G	A	K	E	-	A	C	P	-	NGFR					
1	M	-	R	L	P	R	-	A	S	S	P	C	G	L	A	W	G	P	L	L	L	L	S	G	L	L	V	A	S	Q	P	Q	L	V	P	P	-	LTbR					
1	M	L	G	I	W	T	-	-	-	L	P	-	-	L	P	L	V	L	I	S	V	-	A	R	L	S	S	K	S	V	N	A	Q	V	T	D	I	N	S	K	G	L	FAS
1	M	-	-	-	-	A	R	P	H	P	-	-	-	-	-	W	W	L	C	V	L	G	T	L	V	G	L	S	-	A	T	P	A	P	K	S	C	P	-	CD27			
1	M	R	V	R	L	P	L	-	Q	-	-	-	-	-	-	L	A	A	L	G	L	L	F	D	G	A	L	R	A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	CD30				
1	M	V	G	N	-	-	-	-	-	-	-	C	V	N	I	V	A	T	L	L	L	V	L	N	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	CD40			
1	M	C	V	G	A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	R	G	P	C	A	A	L	L	D	G	L	G	L	S	T	V	T	G	L	H	C	V	-	-	41BB-4-188			
1	M	K	S	V	-	L	Y	L	I	-	-	-	-	-	-	L	F	L	S	C	I	I	I	N	G	R	D	A	A	P	-	-	-	-	-	-	-	-	OX40				
1	M	K	S	-	-	-	Y	I	L	L	-	-	-	-	-	L	L	L	S	C	I	I	I	N	S	D	I	T	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	VC22				
																																						-	CRMB				
1	M	R	A	L	E	-	-	-	-	-	-	G	P	G	L	S	L	L	C	L	V	L	A	L	P	A	L	L	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	TNFR-6a				
1	M	R	A	L	E	-	-	-	-	-	-	G	P	G	L	S	L	L	C	L	V	L	A	L	P	A	L	L	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	TNFR-6b				

FIG.3A

39	-	-	K	R	D	S	V	C	P	Q	G	K	Y	I	H	-	-	P	Q	N	N	S	I	C	C	T	K	C	H	K	G	T	Y	L	Y	N	D	C	P	G	TNFR1	
32	-	-	Y	-	A	P	E	P	G	S	T	C	R	L	R	E	Y	-	D	Q	T	A	Q	M	C	C	S	K	C	S	P	Q	H	A	K	V	F	C	-	-	TNFR2	
34	-	-	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	G	L	Y	T	H	S	G	E	-	C	C	K	A	C	N	L	G	V	A	Q	P	C	G	A	NGFR		
36	-	-	Y	R	I	E	N	Q	T	C	W	D	Q	N	L	E	Y	E	P	M	H	G	Q	F	C	C	S	R	C	P	P	G	E	F	V	F	A	V	C	-	-	LtR
36	E	L	R	R	K	T	V	T	-	-	-	-	-	-	-	E	G	L	H	D	G	Q	F	C	C	H	K	P	C	P	P	G	E	R	K	A	R	D	C	T	V	FAS
29	-	-	E	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	R	H	Y	W	A	Q	G	K	L	C	C	Q	M	C	E	P	G	T	F	L	V	K	D	C	D	Q	CD27
22	-	-	D	R	P	F	E	D	T	C	H	G	N	P	S	-	Y	D	K	A	V	R	R	C	C	C	Y	R	C	P	M	G	L	F	P	T	Q	Q	C	P	Q	CD30
24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	K	Q	Y	L	-	I	N	S	Q	-	S	L	C	C	Q	P	G	Q	K	L	V	S	D	C	-	-	CD40
21	-	-	T	R	S	L	Q	D	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	C	S	N	C	P	A	G	T	F	-	-	-	-	D	N	41BB	
33	-	-	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	D	T	Y	P	S	N	D	R	-	C	C	H	E	C	R	P	G	N	G	M	V	S	R	C	S	R	OX40
28	-	-	P	N	G	K	C	K	D	T	E	Y	K	R	H	N	-	-	-	-	-	-	L	C	C	L	S	C	P	P	G	T	Y	A	S	R	L	C	D	S	VC22	
26	-	-	S	N	G	K	C	K	D	N	E	Y	K	R	H	H	-	-	-	-	-	-	L	C	C	L	S	C	P	P	G	T	Y	A	S	R	L	C	D	S	CRMB	
27	-	-	V	R	G	V	A	E	T	P	T	Y	P	W	R	D	A	-	E	T	G	E	R	L	V	C	A	Q	C	P	P	G	T	F	V	Q	R	P	C	-	-	TNFR-
27	-	-	V	R	G	V	A	E	T	P	T	Y	P	W	R	D	A	-	E	T	G	E	R	L	V	C	A	Q	C	P	P	G	T	F	V	Q	R	P	C	-	-	TNFR-

FIG.3B

75	P	-	G	Q	D	T	D	C	R	-	E	C	C	E	S	G	S	-	F	T	A	S	E	N	H	L	R	H	C	L	S	C	S	K	-	C	R	K	E	M	G	TNFR1	
68	T	K	T	S	D	T	V	C	-	D	S	C	-	E	D	S	T	Y	T	Q	L	W	N	W	V	P	E	C	L	S	C	G	S	-	C	S	D	Q	V	TNFR2			
60	N	Q	-	T	-	V	-	C	-	E	-	P	C	-	D	S	V	I	F	S	D	V	S	A	T	E	P	C	K	P	C	T	-	E	C	V	G	L	Q	S	NGFR		
73	S	R	S	Q	D	T	V	C	-	K	T	C	-	P	H	N	S	Y	N	E	H	W	N	H	L	S	T	C	Q	L	C	R	P	-	C	D	I	V	L	G	LTbR		
76	H	-	G	D	E	P	D	C	-	V	-	P	C	-	E	G	K	E	Y	T	D	K	A	H	F	S	S	C	R	R	-	-	-	-	-	C	D	E	G	H	G	FAS	
56	H	R	K	A	-	A	Q	C	-	D	-	P	C	-	P	G	V	S	F	S	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	CD27		
51	R	-	-	-	P	T	D	C	-	R	-	Q	C	-	E	P	D	Y	Y	L	D	E	A	D	R	C	T	A	C	V	T	C	S	-	-	-	R	D	D	-	CD30		
52	T	E	F	T	E	-	I	C	-	-	-	L	P	C	-	G	E	S	E	F	L	T	W	N	R	E	T	H	C	H	Q	H	K	Y	-	C	D	P	N	L	G	CD40	
40	N	R	N	Q	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	A	-	G	G	Q	R	-	C	-	-	-	-	Q	-	W	R	-	N	L	R	S	OX40
59	S	Q	N	T	-	V	-	Q	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	V	V	S	S	K	-	P	C	K	P	-	-	-	-	-	C	N	S	N	Q	V	VC22
60	K	T	N	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	H	L	P	A	C	L	S	C	N	G	R	-	C	D	S	N	Q	V	CRMB		
58	K	T	N	T	N	T	Q	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	H	L	P	A	C	L	S	C	N	G	R	-	C	D	S	N	Q	V	CRMB		
63	R	R	D	S	P	T	T	C	-	G	P	C	-	P	P	R	H	Y	T	Q	F	W	N	Y	L	E	R	C	R	Y	C	N	V	L	C	G	E	R	E	E	TNFR-6a		
63	R	R	D	S	P	T	T	C	-	G	P	C	-	P	P	R	H	Y	T	Q	F	W	N	Y	L	E	R	C	R	Y	C	N	V	L	C	G	E	R	E	E	TNFR-6b		

6/22
4-1BB

FIG.3C

111	-	Q	V	E	I	S	S	C	T	V	D	R	D	T	V	C	G	C	R	K	N	Q	Y	R	H	Y	W	S	E	N	L	F	Q	C	F	N	C	S	L	T	TNFR1		
106	-	-	E	T	Q	A	-	C	T	I	R	E	Q	N	R	I	C	C	R	P	G	W	Y	C	A	L	S	K	Q	E	-	-	-	G	C	R	L	C	A	P	L	TNFR2	
95	M	S	A	P	-	-	-	C	V	E	A	D	D	A	V	C	R	C	A	Y	G	Y	-	Q	D	E	T	G	-	-	-	-	-	R	C	E	A	C	R	V	Q	NGFR	
110	F	E	E	V	A	P	-	C	T	S	D	R	K	A	E	C	R	C	Q	P	G	M	S	C	V	Y	L	D	N	E	-	-	-	C	V	H	C	E	E	E	L	tBr	
113	L	E	V	E	I	N	-	C	T	R	T	Q	N	T	K	-	-	-	K	P	N	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	F	C	N	-	-	-	-	FAS
74	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	H	C	E	S	C	R	H	-	CD27	
92	L	V	E	K	T	P	-	C	A	W	N	S	S	R	V	C	E	C	R	P	G	M	F	C	S	T	S	A	V	N	-	-	-	S	C	A	R	C	F	H	-	CD30	
89	L	R	V	Q	Q	K	-	G	T	S	E	T	D	T	I	C	T	C	E	E	G	W	H	C	T	-	-	S	E	A	-	-	-	-	C	E	S	C	V	L	H	-	CD40
71	V	F	R	T	R	K	E	C	S	S	T	S	H	A	E	C	D	C	T	P	G	F	H	C	L	-	-	-	G	A	-	-	-	G	C	S	M	C	E	Q	D	4-1BB	
92	G	S	E	R	K	Q	L	C	T	A	T	Q	D	T	V	C	R	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	OX40
96	-	-	E	T	R	S	-	C	N	T	T	H	H	R	I	C	E	C	S	P	G	Y	Y	C	L	L	K	G	S	-	-	-	-	G	C	K	A	C	V	S	Q	VC22	
96	-	-	E	T	R	S	-	C	N	T	T	H	N	R	I	C	D	C	A	P	G	Y	Y	C	F	L	K	G	S	-	-	-	-	G	C	K	A	C	V	S	Q	CRMB	
101	-	-	E	A	R	A	-	C	H	A	T	H	N	R	A	C	R	C	R	T	G	F	F	-	-	-	-	A	H	A	-	-	-	-	G	-	-	F	C	L	E	H	TNFR-
101	-	-	E	A	R	A	-	C	H	A	T	H	N	R	A	C	R	C	R	T	G	F	F	-	-	-	-	A	H	A	-	-	-	-	G	-	-	F	C	L	E	H	TNFR-

FIG.3D

149	-	-	-	-	C	L	N	G	T	V	H	L	-	-	S	C	Q	E	K	Q	N	T	V	C	T	-	C	H	A	G	F	F	L	R	E	-	-	-	-	N	T	N	F	R	1				
141	R	-	-	K	C	R	P	G	F	G	V	A	R	P	P	G	T	E	T	S	D	V	V	-	C	K	P	C	A	P	G	T	F	S	N	T	T	S	S	T	D	T	N	F	R	2			
128	-	-	-	-	C	E	A	G	S	G	L	V	-	F	S	C	Q	D	K	Q	N	T	V	-	C	E	C	P	D	G	T	Y	S	D	E	A	N	H	V	D	N	G	F	R					
146	R	L	V	L	C	Q	P	G	T	E	A	E	V	T	D	E	I	M	D	T	D	V	N	C	V	P	C	K	P	G	H	F	Q	N	T	S	P	R	R	L	T	b	R						
137	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	S	T	V	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	E	F	A	S				
87	-	-	-	-	C	H	S	G	L	-	L	V	-	R	N	C	T	I	T	A	N	A	E	C	A	-	C	R	N	G	W	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	C	D	27		
129	S	V	-	-	C	P	A	G	M	I	V	K	F	P	P	G	T	A	Q	K	N	T	V	-	C	E	P	A	S	P	G	V	-	S	P	A	C	A	S	P	E	C	D	30					
123	R	-	-	S	C	S	P	G	F	G	V	K	Q	T	A	T	G	V	S	D	T	I	-	C	E	P	C	P	V	G	F	F	S	N	V	S	S	A	F	E	C	D	40						
106	-	-	-	-	C	K	Q	G	Q	E	L	T	K	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	C	K	D	C	C	F	G	T	F	N	D	Q	K	R	G	I	-	-	41BB	-					
110	-	-	-	-	-	R	A	G	T	Q	P	L	-	D	S	Y	-	-	-	-	-	-	-	-	C	A	P	C	P	P	G	H	F	S	P	G	D	N	Q	-	-	-	-	O	X	40			
131	T	-	-	K	C	G	I	G	Y	G	V	S	G	H	-	T	S	V	G	D	V	I	-	C	S	P	C	G	F	G	T	Y	S	H	T	V	S	S	A	D	V	C	22						
131	T	-	-	K	C	G	I	G	Y	G	V	S	G	H	-	T	P	T	G	D	V	V	-	C	S	P	C	G	L	G	T	Y	S	H	T	V	S	S	V	D	C	R	M	B					
130	A	-	-	S	C	P	P	G	A	G	V	I	A	P	G	T	P	S	Q	N	T	Q	-	C	Q	P	C	P	P	G	T	F	S	A	S	S	S	S	E	T	N	F	R	-	6a				
130	A	-	-	S	C	P	P	G	A	G	V	I	A	P	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	N	F	R	-	6b

FIG. 3E

41-RR 4-1BBS

[illegible]

FIG. 3H

217	D F V - - A F Q D I S I K R - - - -	- Y Q N I S K - - - -	V C T - - - -	TNFR-6a
143	- - - - -	- - - - -	- - - - -	TNFR-6b

FIG. 31

264	T	K	P	L	A	P	N	P	S	F	S	P	T	P	G	F	T	P	T	L	G	F	S	P	V	P	S	S	T	F	T	S	S	T	Y	T	P	G	D	TNFR1	
294	-	-	-	-	-	-	-	L	Q	R	E	A	K	V	P	H	L	P	A	-	D	K	A	R	G	T	Q	G	P	E	Q	H	L	I	T	A	-	-	TNFR2		
281	-	-	-	-	-	-	-	-	N	K	Q	G	A	N	S	R	P	P	V	-	N	Q	T	P	P	P	E	G	E	K	L	H	S	D	S	G	I	S	V	D	NGFR
262	-	-	-	-	-	-	-	-	P	E	G	E	S	P	P	C	P	A	-	P	R	A	D	P	H	F	F	D	L	A	E	P	L	-	-	-	-	-	-	LtR	
212	-	-	-	-	-	-	-	S	P	T	L	N	P	E	-	-	-	T	V	A	I	N	L	S	D	V	D	L	S	K	Y	I	T	-	-	-	-	-	-	FAS	
169	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	L P CD27			
322	T	T	F	E	A	P	P	L	G	T	Q	P	D	C	N	P	T	P	E	-	N	G	E	A	P	A	S	T	S	P	T	Q	S	L	L	V	D	S	Q	A	CD30
222	-	-	-	-	-	-	-	-	P	T	N	K	A	P	H	P	K	Q	E	-	P	Q	-	E	I	N	F	F	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	CD40	
193	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	41BB		
198	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	S	Q	G	P	S	T	R	P	V	-	E	-	-	-	V	P	G	G	R	A	V	A	I	L	G	L	G	L	-	CK40-DX40	
255	-	-	-	-	-	-	-	-	L	N	F	E	I	K	C	N	N	-	-	-	-	-	-	-	K	G	S	-	-	S	F	K	Q	-	-	-	-	-	-	VC22	
255	-	-	-	-	-	-	-	-	L	N	F	E	I	K	C	N	N	-	-	-	-	-	-	-	K	D	S	Y	S	S	S	K	Q	-	-	-	-	-	-	CRMB	
229	-	-	-	-	-	-	-	-	L	Q	R	L	L	Q	A	L	E	A	P	E	-	G	W	-	-	G	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	TNFR-6a
143	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	E	-	S	W	A	R	G	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	TNFR-6b

13/22

FIG.3J

TNFR-6a
TNFR-6b

FIG. 3L

TNFR-6a
TNFR-6b

FIG. 3M

FIG. 3N

TNFR-6a
TNFR-6b

S V R E R TNFR-6a
V A G P S TNFR-6b

FIG. 30

434
431
401
386
312
246
520
263
224
225
260
345
351

163-162-
291

TNFR-6a
TNFR-6b

FIG. 3P